

大连民族大学硕士研究生导师信息采集表

一、基本信息

姓名	代启国	性别	男	职 称	副教授
最高学位及授予单位	博士，哈尔滨工业大学				
所在学院	计算机科学与工程学院	电子邮箱	daiqiguo@dlnu.edu.cn		
学科/类别	电子信息	招生方向/领域	人工智能		
所在科研平台及职务	人工智能系主任				
(学习与工作经历、研究方向及成果统计等信息)					
<p>代启国，博士，1985年5月生，副教授，研究生导师，长期从事人工智能与生物信息学研究，主持国家自然科学基金、辽宁省自然科学基金、中央高校自主科研经费项目及横向项目多项，累计到账经费50余万元。</p> 					
<p>在《Briefings in Bioinformatics》、《Neurocomputing》、《Bioinformatics》《IEEE-ACM Transactions on Computational Biology and Bioinformatics》等重要期刊及国际会议上累计发表SCI、EI检索的高水平学术论文近20篇。任中国计算机学会生物信息学专业委员会专委，IEEE BIBM会议、中国计算机学会生物信息学会议（CBC2018-23）程序委员会委员。入选辽宁省“百千万人才工程”万层次、大连市青年科技之星、大连市青年才俊。获大连民族大学研究生教育教学成果奖一等奖、先进工作者等奖励称号。</p>					
学习经历：					
2010.09—2015.07 哈尔滨工业大学 计算机科学与技术专业 博士					
2007.09—2010.07 北京工业大学 计算机应用专业 硕士					
2002.09—2006.07 湖北汽车工业学院 计算机科学与技术专业 本科					
工作经历：					
2019.09—至今 大连民族大学 计算机科学与工程学院 副教授					
2015.07—2019.08 大连民族大学 计算机科学与工程学院 讲师					

个人学术主页	链接（选填）
主讲研究生课程	人工智能与机器学习、高级机器学习及应用

注：学科/类别、招生方向/领域须与招生专业目录保持一致。

二、代表性学术论文与著作

序号	论文或著作题目（以参考文献格式列举）
1	Dai Qiguo et al. GraphCDA: a hybrid graph representation learning framework based on GCN and GAT for predicting disease-associated circRNAs. Briefings in Bioinformatics, 2022, 23(5):bbac379 (影响因子: 13.994)
2	Dai Qiguo et al. Predicting miRNA-disease associations using an ensemble learning framework with resampling method. Briefings in Bioinformatics, 2022, 23(1):bbab543. (影响因子: 13.994)
3	Dai Qiguo et al. A Stacked Ensemble Learning Framework with Heterogeneous Feature Combinations for Predicting ncRNA-Protein Interaction. IEEE BIBM 2020. (CCF-B 推荐会议)
4	Dai Qiguo et al. Construction of Complex Features for Computational Predicting ncRNA-Protein Interaction. Front Genet. 2019, 10:18.

注：限 5 项，导师须为第一作者，文献格式遵循 GB/T 7714-2015。

三、政府科研奖励成果

序号	科研奖励成果名称	获奖级别及单位	获奖时间
1			
2			
3			
...			

注：限 5 项，指政府自然科学奖、技术发明奖和科技进步奖，孙冶方经济学奖、中国专利奖、何梁何利科技奖等优秀成果奖。

四、代表性科研项目

序号	项目名称及来源	起止年月

1	面向疾病的 lncRNA-蛋白质异构时序网络构建与分析方法, 国家自然科学基金青年项目, 61701073	2018.01—2020.12
2	基于图神经网络的单细胞多组学整合方法研究, 辽宁省自然科学基金面上项目, 2023-MS-130	2023.03—2025.02
3	面向 AML 的环状 RNA 时序调控网络构建与分析方法研究, 辽宁省教育厅项目, LJKMZ20220394	2022.09—2024.09
4	基于人工智能的疾病相关 ncRNA 功能解析方法研究与应用, 大连市青年科技之星项目, 2020RQ059	2021.01—2022.12

注: 限 5 项, 导师须为项目负责人。

五、其他代表性成果

序号	成果名称、级别及来源单位、时间
1	
2	
3	
...	

注: 限 5 项。

六、指导研究生科研或创新代表性成果

序号	成果名称
1	Wang Zhaowei, Dai Qiguo et al. Predicting RBP Binding Sites of RNA With High-Order Encoding Features and CNN-BLSTM Hybrid Model. IEEE/ACM Trans Comput Biol Bioinform. 2022, 19(4):2409-2419. (CCF-B 推荐期刊)
2	基于二级结构和多模型融合的非编码 RNA 与蛋白质相互作用预测方法, 发明专利(受理), 2020.11155255.7
3	基于 PyQt 的视频人物典型动作特征挖掘分析系统, 软件著作权, 2023SR0120071
4	面向在线教学的学生学习状态分析系统, 软件著作权, 2023SR0145719
5	基于 PyQt 的单细胞分类系统, 软件著作权, 2023SR0526606

注: 限 5 项, 研究生为第一或第二作者(导师第一作者)的科研或省级及以上创新成果。

七、主要学术兼职及荣誉称号

序号	学术兼职（荣誉称号）名称、批准（颁发）单位、时间
1	中国计算机学会生物信息学专业委员会委员，中国计算机学会，2020年至今
2	IEEE BIBM 国际会议（CCF-B 推荐会议）程序委员会委员，2023 年
3	中国计算机学会生物信息会议程序委员会委员，2018 年至今
...	

注：限 5 项。